

# María Teresa Navarro Romero

## Temas de Interés

Arqueogenética, Biología Molecular, Genética, Evolución, Paleopatología, Genética de Poblaciones, Agrobiotecnología y Biotecnología.

## Nombre del Proyecto

Estudio de enfermedades, parentesco y estructura demográfica a través del análisis del DNA antiguo de restos óseos pertenecientes a individuos encontrados en Tabuco, Veracruz en el periodo Posclásico.

## Descripción del Proyecto

Analizar el DNA antiguo de individuos prehispánicos del periodo Posclásico encontrados en Tabuco, Veracruz con técnicas de secuenciación para identificar y caracterizar la enfermedad causada por una especie de la bacteria *Mycobacterium*, determinar el parentesco entre los individuos de estudio a través del análisis del DNA mitocondrial (linaje materno) y Cromosoma-Y (linaje paterno), tipificar la estructura demográfica a través de la identificación de sexo y conocer la relación genética de los habitantes de Tabuco con otras poblaciones nativas contemporáneas y antiguas mediante la distribución de frecuencias alélicas de haplogrupos y haplotipos usando técnicas de biología molecular y análisis bioinformáticos.

## Semblanza Curricular

Investigadora Posdoctoral del Instituto de Investigaciones Antropológicas de la UNAM en el área de Antropología Genética, realizó su Doctorado en el Departamento de Genética y Biología Molecular del CINVESTAV-IPN y una estancia doctoral en el Instituto de Biología Molecular Clínica de la Universidad de Kiel, Alemania. El proyecto que desarrollo durante su doctorado se enfocó en el análisis del DNA antiguo de individuos prehispánicos mesoamericanos del periodo Arcaico y Clásico encontrados en la Cueva de Puyil en Tabasco, empleando técnicas de biología molecular y herramientas bioinformáticas.

El proyecto que desarrolla actualmente consiste en el análisis del DNA antiguo de individuos prehispánicos mesoamericanos del periodo Posclásico encontrados en Tabuco, Veracruz usando



## SEMBLANZA

técnicas de biología molecular y herramientas bioinformáticas. El objetivo es identificar la enfermedad presente en los individuos de estudio causada por una especie de la bacteria *Treponema* en un marco genético y evolutivo, determinar el parentesco entre los individuos a través del análisis del DNA mitocondrial (linaje materno) y Cromosoma Y (linaje paterno), tipificar la estructura demográfica a través de la identificación de sexo y conocer la relación genética de los habitantes de Tabuco con otras poblaciones nativas contemporáneas y antiguas mediante la distribución de frecuencias alélicas de haplogrupos y haplotipos.

Es profesional en genética, biología molecular y biotecnología, con experiencia en el área de arqueogenética, agrobiotecnología y mejoramiento genético de microorganismos y plantas.